



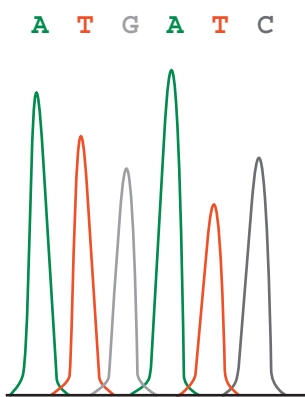
## perfectSequencing

Lösungen für DNA-  
Qualitätskontrolle und Analyse



## Entelechons Sequenzier-Service

- schnell, persönlich und unkompliziert



### SimpleRun

Sequenzierung von Plasmiden und PCR-Produkten bis 600 nt in Top-Qualität  
Lieferzeit 1-2 Arbeitstage

### DoubleRun

Sequenzierung der sense- und antisense-DNA von Plasmiden und PCR-Produkten bis 600 nt in Top-Qualität | Lieferzeit 1-2 Arbeitstage

### FlankingRun

Sequenzierung von Vektoreninserts über die Insertionsflanken bis 600 nt in Top-Qualität | Lieferzeit 1-2 Arbeitstage

### PrimerWalk

Einzelstrang-Sequenzierung von Plasmiden, ausgehend von einer Startsequenz mit Primerdesign und -synthese für Anschlusssequenzierung und sequenzieller Lieferung der Ergebnisse | Lieferzeit 1-5 Arbeitstage

### MutationSequencing

Sequenzierung von Plasmiden und PCR-Produkten über Mutationsstellen in Top-Qualität | Lieferzeit 1-2 Arbeitstage

## So erhalten Sie Ihre Sequenzierergebnisse

- im **FASTA/txt-Format** sowie die **ABI-Sequenzchromatogramme**
- **hand-editierte** Sequenzchromatogramme
- Daten verfügbar zum Herunterladen in einem sicheren und passwortgeschützten **Online-Account**
- oder zugesendet an Ihre e-mail-Adresse
- Daten innerhalb von 1-2 Werktagen nach Eingang der Proben
- **Hotline Support von 9 bis 18 Uhr (MEZ) unter Tel. 0941/69 818 12**



# perfectSequencing

## Kostenlose Leistungen

- **For FREE** Lagerung von DNA & Primern für zukünftige Sequenzierungen (8 Wochen bis nach Absprache)
- **For FREE** Standardprimer
- **For FREE** Hotline-Support (von 9-18 Uhr, MEZ)

## Sequenzierkonto und Kurierdienst

Wir bieten unseren Kunden die Möglichkeit zur Einrichtung eines **Sequenzierkontos** zu besonders attraktiven Konditionen - ab einem Mindestbestellvolumen von 100 Sequenzierläufen. Ab 500 Sequenzierläufen sind weitere Rabatte möglich. Profitieren Sie zudem von der bequemen Rechnungsstellung bei Beladung des Kontos.

Für Sequenzierkunden der Universität Regensburg, des Bioparks und des Universitätsklinikums haben wir einen kostenlosen **Kurier-Abholservice** eingerichtet. Ihre Sequenzen werden noch am selben Abend bearbeitet.

## Kostenlose Primer

Für Sequenzieraufträge stehen kostenlose Standardprimer für Standardvektoren zur Verfügung z.B. M13for/rev, T3/T7, Sp6, T7term und BGHrev.

Für weitere kostenlose Primer beachten Sie bitte den Appendix. Alle Primersequenzen finden Sie zudem als Textdatei zum Download auf unserer Webseite unter [www.entelechon.com/sequencing](http://www.entelechon.com/sequencing).



## perfectSequencing

### Entelechons zusätzliche Services

#### **Primer- und Oligodesign**

*in silico*-Design von hochspezifischen Oligonukleotiden für Microarrays, Hybridisierungsexperimente, PCR sowie die Sequenzierung im kleinen und großen Maßstab.

Gerne übernehmen wir Ihre Sequenzierprojekte mit speziellen Anforderungen.

Fragen Sie nach Rabatten für große Auftragsvolumen!

Bitte besuchen Sie auch unsere Webseite für weitere Informationen zu unserem perfectSequencing Service. Dort finden Sie auch unser Sequenzier-Auftragsformular zum Download.

[www.entelechon.com/sequencing](http://www.entelechon.com/sequencing)

Für weitere Informationen zögern Sie bitte nicht, uns zu kontaktieren: [sequencing@entelechon.com](mailto:sequencing@entelechon.com) oder telefonisch unter +49-(941)-69 818 12.



# perfectSequencing

## Appendix - **Kostenlose** Primer

*T7prom	TAATACGACTCACTATAGGG
*T7term	GCTAGTTATTGCTCAGCGG
*M13for	GTAAAACGACGGCCAG
*M13rev	CAGGAAACAGCTATGAC
*SP6	ATTTAGGTGACACTATAGAA
*BGHrev	TAGAAGGCACAGTCGAGGC
*T3	ATTAACCCCTACTAAAGGGA
*pQEprom	CGGATAACAATTCACACAG
*pQEterm	GTTCTGAGGTCATTACTGG
*pUC18for	CTATTACGCCAGCTGGCGAAAG
*pUC18rev	GTTAGCTCACTCATTAGGCAC
*BGHrev	TAGAAGGCACAGTCGAGGC
*pVL1392for	AAAATGATAACCATCTCGC
*pVL1392rev	GTCCAAGTTTCCCTGTAG
*T3	ATTAACCCCTACTAAAGGGA
*CMVfor	CCCCTGCTTAACTGGC
*CMVrev	CCAATTATGTCACACCA
*pECFP-C1-for	CCTGAGCAAAGACCCCAACG
*pECFP-C1-rev	CATTTTATGTTTCAGGTTTCAGG
*pEYFP-N1-for	GGGAGTTTGTGTTTGGCACC
*pEYFP-N1-rev	CTCGCGGGACACGCTGAAC
*pREP4_for	CGCAAGGGCTGCTAAAGGAA
*pREP4_rev	TTCCCGCTTCAGTGACAACG
*UAST_fwd	GCAACTACTGAAATCTGCCAAGAAG
*GL2	CTTTATGTTTTTGGCGTCTTCCA
*RV3	CTAGCAAAATAGGCTGTCC
*RV4	GACGATAGTCATGCCCCGCG
*pEGFP-N1-fwd	GGTTTAGTGAACCGTCAGATCCG
*pEGFP-N1-rwd	ACCACCCCGGTGAACAGCTCCTC
*pLXSN-for	CCCTTGAACCTCCTCGTTTCGACC
*pLXSN-rev	GAGCCTGGGGACTTTCACACCC
*pECFP-N1-rev	CTTGCTCACCATGGTGGC
*Gal4-for	GTCACAGATAGATTGGCTTCAGTG
*pLenti-rev	CTTCCACACCCTAACTGACACACATT
*GEX5´for	GGGCTGGCAAGCCACGTTTGGTG
*GEX3´rev	GGAGCTGCATGTGTCAGAGG
*CMV fwd	CGCAAATGGGCGGTAGGCGTG
*pQC5´-fwd	ACGCCATCCACGCTGTTTTGACCT
*pQC3´-rwd	AAGCGGCTTCGGCCAGTAACGTTA
*pBADHisB_rwd	CAAATTCTGTTTTATCAGACCGC
*pBADHisB_fwd	GCATTTTTATCCATAAGATTAGCGG
*T7_EEV	AAGGCTAGAGTACTTAATACGA